Pg. Vall d'Hebron 119-129 | 08035 Barcelona
Edifici Mediterrània, 2ª planta
T. 93/489 44 59
contractacio.publica@vhir.org / https://vhir.vallhebron.com/ca

INFORME DE NECESIDAD, POR LA CONTRATACIÓN DE LOS SERVICIOS PARA LLEVAR A CABO ESTUDIOS GENÓMICOS MEDIANTE TÉCNICAS DE SECUENCIACIÓN AVANZADA "WHOLE GENOME SEQUENCING" (WGS) Y "RNA SEQUENCING" (RNAseq), DESTINADO AL GRUPO DE INVESTIGACIÓN DE GENÉTICA DEL CÁNCER HEREDITARIO DE LA FUNDACIÓ HOSPITAL UNIVERSITARI VALL HEBRON INSTITUT DE RECERCA (VHIR).

Proyecto PI22/01200, financiado por el Instituto de Salud Carlos III (ISCIII) y cofinanciado por la Unión Europea.

2024-008 SECUENCIACIÓN DEL GENOMA (PI22/01200)

La Dr. Sara Gutiérrez-Enríquez, responsable del laboratorio del grupo de investigación "Genética del Cáncer Hereditario" que se encuentra acreditado por el centro IIS, propone que se incorpore el correspondiente expediente de contratación del servicio de secuenciación avanzada (con y sin análisis bioinformático) mediante las siguientes técnicas genómicas: Whole Genome Sequencing (WGS) y RNA sequencing (RNAseq) de la Fundació Hospital Universitari Vall Hebron - Institut de Recerca (VHIR), a cargo del proyecto (PI22/01200 titulado" Secuenciación del genoma completo como primera prueba para mejorar el diagnóstico genético del cáncer de mama/ovario hereditario" subvencionado por el Instituto de Salud Carlos III (ISCIII) y cofinanciado por la Unión Europea.

El servicio de secuenciación avanzada no puede llevarse a cabo en las propias instalaciones ya que no se dispone del equipamiento necesario, por lo que han de subcontratarse a un proveedor externo. El servicio de secuenciación avanzada (WGS y RNAseq) objeto de la contratación no pueden dividirse en lotes puesto que, aunque se establecen diferentes tipos de técnicas y estudios, el equipamiento empleado para realizar dichos estudios es común a todos ellos. Además, dada la naturaleza de los proyectos, necesitaremos en algunas ocasiones realizar las 2 técnicas a la vez para las muestras de un único paciente. Por ese motivo es necesario un único proveedor para todas las técnicas y requerimientos.

En este sentido, para evitar cualquier afectación y asegurar su continuidad y optimización con los requerimientos específicos y cambiantes en el sector de investigación de excelencia, se ha tomado la decisión de contratar la realización de esta actividad a empresas especializadas, las cuales, disponen de medios adicionales para cubrir las prestaciones de manera idónea.

La duración del presente contrato de servicios coincidirá con la vigencia del proyecto anteriormente indicado, que es hasta el **31 de diciembre de 2025** fecha de finalización del Proyecto (PI22/01200).

No obstante, si este proyecto se encontrase, por alguna de las razones que ahora no se pueden prever, sujeto a la solicitud de una posible prórroga, la fecha de finalización será susceptible a ser ampliada, como máximo la que sea finalmente autorizada.

El presupuesto máximo de licitación, correspondiente a la duración del servicio, asciende a la suma de **CIEN MIL EUROS" (100.000,00 €)** (IVA excluido), el cual queda desglosado por precio unitario de la siguiente manera:

El número estimado de muestras que se estudiarán dentro del proyecto son:

1. Alrededor de 150 muestras de DNA de sangre total en las que se realizará WGS
2. Aproximadamente 50 muestras de RNA de sangre total en las que se realizará RNAseq

Por lo tanto, el presupuesto (sin IVA) total máximo para cada unidad de servicio a realizar será de:

1.WGS

Descripción	**Unidad**	**Precio/unidad**
WGS (2x150, NovaSeq 6000 S4, 30X)	muestra	640 €
WGS (2x150, NovaSeq 6000 S4, 30X) + análisis bioinformático	muestra	650 €

2.RNAseq

Descripción	**Unidad**	**Precio/unidad**
Stranded mRNA-Seq (2x150bp, NovaSeq 6000 S4, >50X)	muestra	181 €
Stranded mRNA-Seq (2x150bp, NovaSeq 6000 S4, >50X) + anàlisis bioinformático	muestra	189 €
Stranded total RNA-Seq (2x150bp, NovaSeq 6000 S4, >50X)	muestra	216 €
Stranded total RNA-Seq (2x150bp, NovaSeq 6000 S4, >50X) + anàlisis bioinformático	muestra	223 €

Por lo tanto, estos importes máximos en ningún caso son vinculantes por el VHIR.

Por los motivos expuestos,

SE SOLICITA:

1.- Encargar el inicio del expediente contratación de contratación del servicio de secuenciación avanzada (con y sin análisis bioinformático) mediante las siguientes técnicas genómicas: Whole Genome Sequencing (WGS) y RNA sequencing (RNAseq) de la Fundació Hospital Universitari Vall Hebron - Institut de Recerca (VHIR), a cargo del proyecto (PI22/01200 titulado" Secuenciación del genoma completo como primera prueba para mejorar el diagnóstico genético del cáncer de mama/ovario hereditario" subvencionado por el Instituto de Salud Carlos III (ISCIII) y cofinanciado por la Unión Europea, por un presupuesto máximo de licitación de 100.000,00 euros, IVA excluido.

2.- Encargar la certificación de existencia de crédito suficiente para certificar que el VHIR dispone de consignación presupuestaria suficiente para hacer frente a los gastos que se deriven del presente expediente.

Pg. Vall d'Hebron 119-129 | 08035 Barcelona
Edifici Mediterrània, 2ª planta
T. 93/489 44 59
contractacio.publica@vhir.org / https://vhir.vallhebron.com/ca

Barcelona, a la fecha de la firma electrónica.

SARA ILIANA GUTIÉRREZ ENRÍQUEZ - DNI 23820736G

Firmado digitalmente por SARA ILIANA GUTIÉRREZ ENRÍQUEZ - DNI 23820736G
Fecha: 2024.02.09 11:12:00 +01'00'

RESPONSABLE
Dr. Sara Gutiérrez-Enríquez,
Responsable del grupo de investigación "Genética del Cáncer Hereditario"
Fundació Hospital Universitari Vall Hebron – Institut de Recerca (VHIR)